

# INTERPRETATION TABLE

## DQB1\*06 SSP subtyping

Amplification patterns of the DQB1\*06:01 to 06:40 alleles

	Well <sup>4</sup>															
	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16
Length of spec.	220	210	185	130	160	170	210	170	130	260	210	180	185	130	100	195
PCR product(s)															185	
Length of int.	515	430	430	430	430	515	515	430	430	515	430	430	430	430	430	430
pos. control <sup>1</sup>																
5'-primer(s) <sup>2</sup>	26 (173)	30 (184)	9 (122)	27 (177)	9 (122)	27 (177)	30 (184)	27 (177)	27 (177)	14 (136)	30 (184)	27 (177)	9 (122)	27 (177)	9 (122)	9 (122)
	5'-TTA <sup>3'</sup>	5'-gAT <sup>3'</sup>	5'-gTT <sup>3'</sup>	5'-gTA <sup>3'</sup>	5'-gTA <sup>3'</sup>	5'-gTA <sup>3'</sup>	5'-gAC <sup>3'</sup>	5'-gTA <sup>3'</sup>	5'-gTA <sup>3'</sup>	5'-gTA <sup>3'</sup>	5'-gCC <sup>3'</sup>	5'-gAT <sup>3'</sup>	5'-gTA <sup>3'</sup>	5'-gTT <sup>3'</sup>	5'-gTg <sup>3'</sup>	5'-gTT <sup>3'</sup>
		30 (184)														
		5'-gAT <sup>3'</sup>														
3'-primer(s) <sup>3</sup>	86 (353)	86 (353)	57 (266)	57 (266)	48 (240)	70 (304)	86 (353)	70 (304)	57 (266)	86 (353)	86 (353)	74 (317)	57 (265)	57 (266)	27 (177)	60 (274)
	5'-ACg <sup>3'</sup>	5'-ACg <sup>3'</sup>	5'-CAT <sup>3'</sup>	5'-CAT <sup>3'</sup>	5'-gCg <sup>3'</sup>	5'-CCC <sup>3'</sup>	5'-ACC <sup>3'</sup>	5'-CCT <sup>3'</sup>	5'-CAA <sup>3'</sup>	5'-ACC <sup>3'</sup>	5'-ACC <sup>3'</sup>	5'-CCg <sup>3'</sup>	5'-gCT <sup>3'</sup>	5'-CAA <sup>3'</sup>	5'-gTT <sup>3'</sup>	5'-gTT <sup>3'</sup>
								74 (317)		87 (356)					30 (184)	
								5'-CCg <sup>3'</sup>		5'-ggA <sup>3'</sup>					5'-gTg <sup>3'</sup>	
															57 (266)	
															5'-Cgg <sup>3'</sup>	
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16
DQB1 allele																
*06:01:01-06:01:05	1	2														
*06:02:01-06:02:02		2	3													
*06:03:01-06:03:02				4	5	6										
*06:04:01, 06:04:03							7	8	9							
*06:04:02					5		7	8	9							
*06:05:01								8	9	10	11					
*06:05:02		?						8		?	?					
*06:06		?						8	9	?	?	12				
*06:07				4	5		7	8								
*06:08:01					5	6			9							
*06:08:02						6			9							
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16

Length of spec.	220	210	185	130	160	170	210	170	130	260	210	180	185	130	100	195
PCR product(s)															185	
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16
*06:09								8	9		11					
*06:10		2											13			
*06:11:01		2			5											
*06:11:02		2		4	5	6										
*06:12						6			9		11					
*06:13		2												14		
*06:14:01			3	4		6									15	
*06:14:02			3												15	
*06:15			3								11					
*06:16		2	3													16
*06:17							7		9							
*06:18		2						8	9							
*06:19		2	3													
*06:20		2	3							w						
*06:21						6	7		9							
*06:22											11			14		
*06:23			3													
*06:24		2	3													
*06:25							7	8								
*06:26N				4	5	6										
*06:27								8	9							
*06:28				4	5	6										
*06:29		2													15	
*06:30				4	5											
*06:31				4	5	6				10						
*06:32				4	5			8								
*06:33		2	3													
*06:34							7	8	9							
*06:35	1	2														
*06:36							7	8	9							
*06:37		2	3													
*06:38							7	8	9							
*06:39							7	8	9							
*06:40				4	5	6										
*03:23					5											
*04:01:01-04:03:02																
DQB1 allele																
Well No.	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14	15	16

INTERPRETATION TABLE														
DQB1*06 SSP subtyping														
Amplification patterns of the DQB1*06:01 to 06:40 alleles														
Well <sup>4</sup>														
17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	
110	175	135	110	160	130	160	155	210	165	205	300	90	115	Length of spec.
			215		195				190	265				PCR product(s)
430	430	430	515	430	515	515	430	430	430	430	430	430	430	Length of int.
														pos. control <sup>1</sup>
26 (173)	26 (173)	26 (173)	29 (181)	9 (122)	57 (266)	30 (184)	9 (122)	30 (184)	38 (209)	11 (129)	102 (400)	70 (304)	130 (485)	5'-primer(s) <sup>2</sup>
5'-ggg <sup>3'</sup>	5'-TCT <sup>3'</sup>	5'-TCT <sup>3'</sup>	5'-CCT <sup>3'</sup>	5'-gTT <sup>3'</sup>	5'-TgA <sup>3'</sup>	5'-gAC <sup>3'</sup>	5'-gTT <sup>3'</sup>	5'-gAC <sup>3'</sup>	5'-CgT <sup>3'</sup>	5'-TTA <sup>3'</sup>	5'-TCT <sup>3'</sup>	5'-AgA <sup>3'</sup>	5'-CCg <sup>3'</sup>	
		154 (558)	62 (282)		133 (494)				45 (230)	31 (187)				
		5'-ACT <sup>3'</sup>	5'-Aag <sup>3'</sup>		5'-TCA <sup>3'</sup>				5'-ggA <sup>3'</sup>	5'-ACg <sup>3'</sup>				
48 (240)	71 (307)	57 (265)	86 (353)	48 (240)	86 (353)	70 (304)	47 (237)	86 (353)	87 (356)	86 (353)	189 (661)	86 (353)	154 (558)	3'-primer(s) <sup>3</sup>
5'-gCg <sup>3'</sup>	5'-ggC <sup>3'</sup>	5'-gCT <sup>3'</sup>	5'-ACg <sup>3'</sup>	5'-gCg <sup>3'</sup>	5'-ACC <sup>3'</sup>	5'-CCC <sup>3'</sup>	5'-CgA <sup>3'</sup>	5'-ACg <sup>3'</sup>	5'-ggA <sup>3'</sup>	5'-ACg <sup>3'</sup>	5'-CCA <sup>3'</sup>	5'-ACC <sup>3'</sup>	5'-AAA <sup>3'</sup>	
		186 (653)			185 (650)									
		5'-CgG <sup>3'</sup>			5'-Cgg <sup>3'</sup>									
17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	Well No.
														DQB1 allele
														*06:01:01-06:01:05
				21									30	*06:02:01-06:02:02
						23		25					30	*06:03:01-06:03:02
												29		*06:04:01, 06:04:03
												29		*06:04:02
												29	?	*06:05:01
												?	?	*06:05:02
												?	?	*06:06
					22							29	?	*06:07
						23		25					?	*06:08:01
						23		25					?	*06:08:02
17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	Well No.

110	175	135	110	160	130	160	155	210	165	205	300	90	115	Length of spec.
			215		195				190	265				PCR product(s)
17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	Well No.
												29		*06:09
		19		21									?	*06:10
													?	*06:11:01
													?	*06:11:02
														*06:12
				21									?	*06:13
				21		23		25					?	*06:14:01
				21		23		25					?	*06:14:02
				21	22							29	?	*06:15
				21									?	*06:16
	18												?	*06:17
													?	*06:18
							24						?	*06:19
				21									?	*06:20
						23							?	*06:21
												29	?	*06:22
17				21									?	*06:23
	18			21									?	*06:24
		19										29	?	*06:25
			20										?	*06:26N
								25					?	*06:27
						23		25	w				?	*06:28
				21									?	*06:29
	18							25					?	*06:30
						23		25					?	*06:31
								25					?	*06:32
				21						27			?	*06:33
											28	29		*06:34
									26				?	*06:35
		19										29		*06:36
			20	21									?	*06:37
					22							29		*06:38
												29	30	*06:39
						23		25		27			?	*06:40
														*03:23
							24							*04:01:01-04:03:02
														DQB1 allele
17	18	19	20	21	22	23	24	25	26	27	28	29	30	Well No.